

広島県収受	
第	号
- 5. 8. - 7	
処理期限	月 日
分類記号	保存年限

薬生薬審発 0807 第 2 号  
令和 5 年 8 月 7 日

各都道府県衛生主管部（局）長 殿

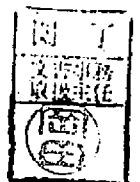
厚生労働省医薬・生活衛生局医薬品審査管理課長  
（ 公 印 省 略 ）

### 医薬品の一般的名称について

標記については、「医薬品の一般的名称の取扱いについて（平成 18 年 3 月 31 日薬食発第 0331001 号厚生労働省医薬食品局長通知）」等により取り扱っているところです。今般、我が国における医薬品の一般的名称（以下「JAN」という。）について、新たに別添のとおり定めたので、御了知の上、貴管下関係業者に周知方よろしく御配慮願います。

（参照）

「日本医薬品一般的名称データベース」<https://jpdb.nihs.go.jp/jan/Default.aspx>  
（別添の情報のうち、JAN 以外の最新の情報は、当該データベースの情報で対応することとしています。）



(別表1) INNとの整合性が図られる可能性のあるもの

(平成18年3月31日薬食審査発第0331001号厚生労働省医薬食品局審査管理課長通知に示す別表1)

登録番号 305-2-A2

JAN (日本名) : ラクストジナメラン

JAN (英名) : Raxtozinameran

核酸配列

GAGAAAYAAAC YAGYAYYCY YAGYAYYCY CYGGYCCCCA CAGACYCAGA GAGAACCCGC 50  
 CACCAYGYCC GYGYCCYGG YGCGYCYGCC YCYGGYGYCC AGCCAGYGYG 100  
 YGAACCYGAY CACCAGAACA CAGYCAAYCA CCAACAGCY YACCAGAGGC 150  
 GYGYACYACC CCGACAAGGY GYCCAGAYCC AGCGYCYGC ACYCYACCCA 200  
 GGACCYGYCC CYGCCYYCY YCAGCAACGY GACCYGGYCC CACGCCAYCC 250  
 ACGYGYCCGG CACCAAYGGC ACCAAGAGAY YCGACAACCC CGCCCYGCCC 300  
 YYCAACGACG GGGYGYACY YGCCAGCACC GAGAAGYCCA ACAYCAYCAG 350  
 AGGCYGGAYC YYCGGCACCA CACYGGACAG CAAGACCCAG AGCCYGCYGA 400  
 YCGYGAACAA CGCCACCAAC GYGGYCAAYCA AAGYGYGCGA GYYCCAGYCC 450  
 YGCAACGACC CCYYCCYGGG CGYCYACCAG AAGAACAACA AGAGCYGGAY 500  
 GGAAAGCGAG YYCCGGGYGY ACAGCAGCGC CAACAACYGC ACCYYCGAGY 550  
 ACGYGYCCCA GCCYYYCCYG AYGGACCYGG AAGGCAAGGA GGGCAACYCC 600  
 AAGAACCYGC GCGAGYCYG GYYYAAGAAC AYCGACGGCY ACYYCAAGAY 650  
 CYACAGCAAG CACACCCCYA YCAACCYCGA GCGGGAYCYG CCYCAGGGCY 700  
 YCYCYGCYCY GGAACCCCYG GYGGAYCYGC CCAYCGGCAY CAACAYCACC 750  
 CGGYYCAGCA CACYGCGGC CCYGCACAGA AGCYACCYGA CACCYGYGGA 800  
 YAGCAGCAGC GGAYGGACAG CYGGYGCCGC CGCYACYAY GYGGGCGYACC 850  
 YGCAGCCYAG AACYYCCYG CYGAAGYACA ACGAGAACGG CACCAYCACC 900  
 GACGCCGYGG AYYGYGCYCY GGAYCCYCYG AGCGAGACAA AGYGCACCCY 950  
 GAAGYCCYCC ACCGYGGAAA AGGGCAYCYA CCAGACCAGC AACYYCCGGG 1000  
 YGCAGCCAC CGAAYCCAYC GYCGGGYCC CCAAYAYCAC CAAYCYGYGC 1050  
 CCCYYCCACG AGGYGYCAA YGCCACCACC YCGCCYCYG YGYACGCCYG 1100  
 GAACCGGAAG CGGAYCAGCA AYYGCGYGGC CGACYACYCC GYGAYCYACA 1150  
 ACYYCGCCCC CYYCYCGCA YYCAAGYCY ACGGCGYGYC CCCYACCAAG 1200  
 CYGAACGACC YGYGCYCAC AAACGYGYAC GCCGACAGCY YCGYGAYCCG 1250  
 GGGAAACGAA GYGYCACAGA YGCCCCYGG ACAGACAGGC AACAYCGCCG 1300  
 ACYACAACYA CAAGCYGCC GACGACYCA CCGGCGYGYG GAYYGCCYGG 1350  
 AACAGCAACA AGCYGGACYC CAAACCAGC GGCAACYACA AYYACCYGYA 1400  
 CCGGCGYCYC CGGAAGYCCA AGCYGAAGCC CYYCGAGCGG GACAYCYCCA 1450  
 CCGAGAYCYA YCAGGCCGGC AACAGCCY YAACGCGCY GGCAGGCCCC 1500  
 AACYGCYACA GCCCACYGCA GYCCYACGGC YYYAGGCCCA CAYACGGCGY 1550  
 GGGCCACCAG CCCYACAGAG YGGYGGYCY GAGCYYCGAA CYGCGAYG 1600

CCCCYGCCAC AGYGYGCGGC CCYAAGAAAA GCACCAAYCY CGYGAAGAAC 1650  
AAAYGCGYGA ACYYCAACY CAACGGCCYG ACCGGCACCG GCGYGCYGAC 1700  
AGAGAGCAAC AAGAAGYYCC YGCCAYYCCA GCAGYYYGCC CGGGAYAYCG 1750  
CCGAYACCAC AGACGCCGY AGAGAYCCCC AGACACYGGA AAYCCYGGAC 1800  
AYCACCYY GCAGCYCGG CGGAGYGYCY GYGAYCACCC CYGGCACCAA 1850  
CACCAGCAAY CAGGYGGCAG YGCGYACCA GGGCGYGAAC YGYACCGAAG 1900  
YGCCCGYGGC CAYYCACGCC GAYCAGCYGA CACCYACAYG GCGGGYGYAC 1950  
YCCACCGGCA GCAAYGYGY YCAGACCAGA GCCGGCYGYC YGAYCGGAGC 2000  
CGAGYACGYG AACAAAGCY ACGAGYCGCA CAYCCCCAYC GGCGCYGGAA 2050  
YCYGCGCCAG CYACCAGACA CAGACAAAGA GCCACCGGAG AGCCAGAAGC 2100  
GYGGCCAGCC AGAGCAYCAY YGCCYACACA AYGYCYCYGG GCGCCGAGAA 2150  
CAGCGYGGCC YACYCCAACA ACYCYAYCGC YAYCCCCACC AACYYCACCA 2200  
YCAGCGYGAC CACAGAGAYC CYGCCYGYGY CCAYGACCAA GACCAGCGYG 2250  
GACYGCACCA YGYACAYCYG CGGCGAYYCC ACCGAGYGYC CCAACCYGYC 2300  
GCYGCAGYAC GGCAGCYCY GCACCCAGCY GAAAAGAGCC CYGACAGGGA 2350  
YCGCCGYGGA ACAGGACAAG AACACCCAAG AGGYGYCGC CCAAGYGAAG 2400  
CAGAYCYACA AGACCCYCC YAYCAAGYAC YCGGCGGCY YCAAYYCYCAG 2450  
CCAGAYYCYG CCCGAYCCYA GCAAGCCAG CAAGCGGAGC YYCAYCGAGG 2500  
ACCYGCYGY CAACAAAGY ACACYGGCCG ACGCCGGCY CAYCAAGCAG 2550  
YAYGGCGAYY GYCYGGGCGA CAYYGCCGCC AGGGAYCYGA YYYGCGCCA 2600  
GAAGYYAAC GGACYGACAG YGCGCCYCC YCYGCYGACC GAYGAGAYGA 2650  
YCGCCAGYA CACAYCYGCC CYGCGGCCG GCACAAYCAC AAGCGGCYGG 2700  
ACAYYYGGAG CAGGCGCCG YCYGCAGAY CCCYYYGCYA YGCAGAYGGC 2750  
CYACCGYYC AACGGCAYCG GAGYGACCA GAAYGYGYC YACGAGAACC 2800  
AGAAGCYGAY CGCCAACCAG YYCAACAGCG CCAYCGGCAA GAYCCAGGAC 2850  
AGCCYAGCA GCACAGCAAG CGCCYGGGA AAGCYGCAGG ACGYGGYCAA 2900  
CCACAAYGCC CAGGCACYGA ACACCCYGGY CAAGCAGCYG YCCYCCAAGY 2950  
YCGGCGCCAY CAGCYCYGY CYGAACGAYA YCCYAGCAG ACYGGACCCY 3000  
CCYAGGCCG AGGYGCAGAY CGACAGACYG AYCACAGGCA GACYGCAGAG 3050  
CCYCCAGACA YACGYGACCC AGCAGCYGAY CAGAGCCGCC GAGAYYAGAG 3100  
CCYCYGCCAA YCYGGCCGCC ACCAAGAYGY CYGAGYGYG GCYGGGCCAG 3150  
AGCAAGAGAG YGGACYYYG CGGCAAGGGC YACCACCYGA YGAGCYYCCC 3200  
YCAGYCYGCC CCYACGGCG YGGYGYYYCY GCACGYGACA YAYGYGCCC 3250  
CYCAAGAGAA GAAYYCYACC ACCGCYCCAG CCAYCYGCCA CGACGGCAA 3300  
GCCCACYYYC CYAGAGAAGG CGYGYCYGY YCCAACGGCA CCCAYYGGY 3350  
CGYACACAG CGGAACYCY ACGAGCCCCA GAYCAYCACC ACCGACAACA 3400  
CCYCYGYGY YGGCAACYG GACGYCYGA YCGGCAYYGY GAACAAYACC 3450  
GYGYACGACC CYCYGCAGCC CGAGCYGGAC AGCYCAAAG AGGAACYGGA 3500  
CAAGYACYYY AAGAACCACA CAAGCCCCGA CGYGGACCYG GGCGAYAYCA 3550  
GCGGAAYCAA YGCCAGCGY GYGAACAYCC AGAAAGAGAY CGACCGGCY 3600  
AACGAGGYGG CCAAGAAYCY GAACGAGAGC CYGAYCGACC YGCAAGAACY 3650

```

GGGGAAGYAC GAGCAGYACA YCAAGYGGCC CYGGYACAYC YGGCYGGGCY 3700
YYAYCGCCGG ACYGAYYGCC AYCGYGAYGG YCACAAYCAY GCYGYGYGCG 3750
AYGACCAGCY GCYGYAGCYG CCYGAAGGGC YGYYGYAGCY GYGGCAGCYG 3800
CYGCAAGYYC GACGAGGACG AYYCYGAGCC CGYGCYGAAG GGCGYGAAAC 3850
YGCACYACAC AYGAYGACYC GAGCYGGYAC YGCAYGCACG CAAYGCYAGC 3900
YGCCCCYYC CCGYCCYGGG YACCCCGAGY CYCCCCGAC CYCGGGYCCC 3950
AGGYAYGCYC CCACCYCCAC CYGCCCCACY CACCACCYCY GCYAGYYCCA 4000
GACACCYCCC AAGCACGCAG CAAYGCAGCY CAAAACGCY YAGCCYAGCCA 4050
CACCCACG GAAACAGCA GYGAYYAACC YYYAGCAAYA AACGAAAGYY 4100
YAACYAAGCY AYACYAACCC CAGGGYGGY CAAYYCGYG CCAGCCACAC 4150
CCYGGAGCYA GCAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAGCAYAYGA 4200
CYAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA 4250
AAAAAAAAA AAAAAAAAAA AA 4272

```

A = アデノシン ; C = シチジン ; G = グアノシン ; Y = N<sup>1</sup>-メチルシュードウリジン

1-3 : 5'キャップ構造部分

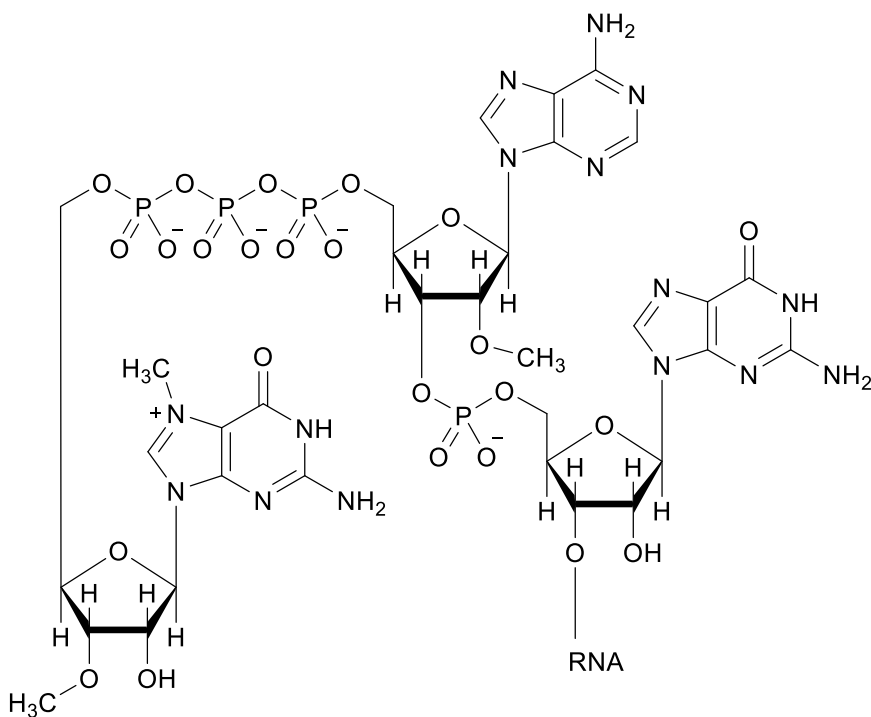
4-54 : 5'非翻訳領域 (15-48 : ヒトαグロビン遺伝子5'非翻訳領域由来の配列)

55-3867 : 翻訳領域 (55-57 : 開始コドン ; 58-102 : SARS-CoV-2 スパイクタンパク質のシグナルペプチド ; 3862-3867 : 終止コドン)

3868-4162 : 3'非翻訳領域 (ヒト amino-terminal enhancer of split (AES) 遺伝子及びミトコンドリア12SリボソームRNA由来の配列)

4163-4272 : ポリ A 転写スリップ

5'キャップ構造部分



ラクストジナメランは、SARS-CoV-2のXBB.1.5系統の変異株（オミクロン株）のスパイクタンパク質類縁体（K982P, V983P）全長をコードするmRNAである。ラクストジナメランは、5'キャップ構造及びポリA配列を含み、全てのウリジン残基がN<sup>1</sup>-メチルシュードウリジン残基に置換された、4272個のヌクレオチド残基からなる1本鎖RNAである。

Raxtozinameran is a mRNA encoding full length of spike protein analog (K982P, V983P) of SARS-CoV-2 (Omicron variant, XBB.1.5). Raxtozinameran is a single-stranded RNA consisting of 4272 nucleotide residues including the 5' cap structure and poly A sequence in which all uridine residues are replaced by N<sup>1</sup>-methylpseudouridine residues.

登録番号 305-2-A4

JAN (日本名) : アンデュソメラン

JAN (英名) : Andusomeran

核酸配列

GGGAAAYAA	GAGAGAAAAG	AAGAGYAAGA	AGAAAYAYAA	GACCCCGGCG	50
CCGCCACCAY	GYYCGYGYC	CYGGYGICYC	YGCCCCYGGY	GAGCAGCCAG	100
YGCGYGAACC	YGAYCACCCG	GACCCAGAGC	YACACCAACA	GCYYCACCCG	150
GGGCGYCYAC	YACCCCGACA	AGGYGYCCG	GAGCAGCGYC	CYGCACAGCA	200
CCCAGGACCY	GYCCYGCC	YYCYCAGCA	ACGYGACCY	GYCCACGCC	250
AYCCACGYGA	GCGGCACCAA	CGGCACCAAG	CGGYCGACA	ACCCCGCCY	300
GCCCYCAAC	GACGGCGYGY	ACYCGCCAG	CACCGAGAAG	AGCAACAYCA	350
YCCGGGGCYG	GAYCYCGGC	ACCACCCYGG	ACAGCAAGAC	CCAGAGCCY	400
CYGAYCGYGA	AYAACGCCAC	CAACGYGGY	AYCAAGGYGY	GCGAGYCCA	450
GYCYGCAAC	GACCCYCC	YGGACGYGA	CCAGAAGAAC	AACAAGAGCY	500
GGAYGGAGAG	CGAGYCCGG	GYGYACAGCA	GCGCCAACAA	CYGCACCYYC	550
GAGYACGYGA	GCCAGCCY	CCYGAYGGAC	CYGGAGGGCA	AGGAGGGCAA	600
CYYCAAGAAC	CYCGGGGAGY	YCGYGYCAA	GAACAYCGAC	GGCYACYCA	650
AGAYCYACAG	CAAGCACACC	CCAAYCAACC	YGGAGCGGGA	YCYGCCCCAG	700
GGCYCYCAG	CCCYGGAGCC	CCYGGYGGAC	CYGCCAYCG	GCAYCAACAY	750
CACCCGGYYC	CAGACCCYGC	YGGCCYGCA	CCGGAGCYAC	CYGACCCAG	800
YGGACAGCAG	CAGCGGGYGG	ACAGCAGGCG	CGCYGCYYA	CYACGYGGGC	850
YACCYGCAGC	CCCGGACCYY	CCYGCYGAAG	YACAACGAGA	ACGGCACCA	900
CACCGACGCC	GYGGACYGCG	CCYGGACCC	YCYGAGCGAG	ACYAAGYGCA	950
CCCYGAAGAG	CYYCACCGY	GAGAAGGGCA	YCYACCAGAC	CAGCAACYC	1000
CGGGYGCAGC	CCACCGAGAG	CAYCGYCGG	YYCCCCAACA	YACCAACCY	1050
YGCCCCYYC	CACGAGGYGY	YCAACGCCAC	CACCYYCGCC	AGCGYGYACG	1100
CCYGAACCG	GAAGCGGAYC	AGCAACYGCG	YGGCCGACYA	CAGCGYGAYC	1150
YACAACYCG	CCCCAYCY	CGCCYYCAAG	YGCYACGGCG	YGAGCCCCAC	1200
CAAGCYGAAC	GACCYGYG	YACCAACGY	GYACCCGAC	AGCYCGYGA	1250
YCCGYGGCAA	CGAGGYGAGC	CAGAYCGCAC	CCGGCCAGAC	AGGCAACAYC	1300
GCCGACYACA	ACYACAAGCY	GCCCGACGAC	YYCACCGCY	GCGYGAYCGC	1350
CYGGAACAGC	AACAAGCYCG	ACAGCAAGCC	CAGCGGCAAC	YACAACYACC	1400
YGACCGGCY	GYCCGGAAG	AGCAAGCYGA	AGCCYYCGA	GCGGGACAYC	1450
AGCACCGAGA	YCYACCAAGC	CGGCAACAAG	CCYYGCAACG	GCGYGGCCGG	1500
CCCCAACYGC	YACAGCCY	YGCAGAGCYA	CGCYCCGG	CCCACCYACG	1550
GCGYGGGCCA	CCAGCCYAC	CGGGYGGYGG	YGCYGAGCY	CGAGCYG	1600
CACGCCCCAG	CCACCGYGY	YGGCCCCAAG	AAGAGCACCA	ACCYGGYGAA	1650
GAACAAGYGC	GYGAACYCA	ACYCAACGG	CCYYACCGGC	ACCGCGYGC	1700
YGACCGAGAG	CAACAAGAAA	YYCCYGCCY	YYCAGCAGYY	CGGCCGGGAC	1750
AYCGCCGACA	CCACCGACGC	YGYGCGGGAY	CCCCAGACCC	YGGAGAYCCY	1800

GGACAYCACC	CCYYGCAGCY	YCGGCGGCGY	GAGCGYGAYC	ACCCAGGCA	1850
CCAACACCAG	CAACCAGGYG	GCCGYGCIYGY	ACCAGGGCGY	GAACYGCACC	1900
GAGGYGCCCC	YGGCCAYCCA	CGCCGACCAG	CYGACACCCA	CCYGGCGGGY	1950
CYACAGCACC	GGCAGCAACG	YGYCCAGAC	CCGGGCCGGY	YGCCYGAYCG	2000
GCGCCGAGYA	CGYGAACAAC	AGCYACGAGY	GCGACAYCCC	CAYCGGCGCC	2050
GGCAYCIYGY	CCAGCIYACCA	GACCCAGACC	AAGYCACACC	GGAGGGCAAG	2100
GAGCGYGGCC	AGCCAGAGCA	YCAICGCCIYA	CACCAYGAGC	CYGGGCGCCG	2150
AGAACAGCGY	GGCCIYACAGC	AACAACAGCA	YCGCCIYCCC	CACCAACIYC	2200
ACCAYCAGCG	YGACCACCGA	GAYCIYGCC	GYGAGCAYGA	CCAAGACCAG	2250
CGYGGACIYG	ACCAYGIYACA	YCIYCGGCGA	CAGCACCGAG	YGCAGCAACC	2300
YGIYGIYGA	GIYACGGCAGC	YIYGIYACCC	AGCIYGAAGCG	GGCCCIYGACC	2350
GGCAYCGCCG	YGGAGCAGGA	CAAGAACACC	CAGGAGGIYGY	YCGCCAGGIY	2400
GAAGCAGAYC	YACAAGACCC	CIYCCCIYCAA	GIYACIYCGGC	GGCIYCAACIY	2450
YCAGCCAGAY	CCIYGCCCGAC	CCCAGCAAGC	CCAGCAAGCG	GAGCIYCIYAYC	2500
GAGGACCIYG	YGIYCAACAA	GGYACCCIYA	GCCGACGCCG	GIYIYCAICAA	2550
GCAGIYACGGC	GACIYGCCIYCG	GCGACIYAGC	CGCCCGGGAC	CIYGAIYCIYCG	2600
CCCAGAAGIYIY	CAACGGCCIYIY	ACCGIYGIYIY	CIYCCCCIYGIY	GACCGACGAG	2650
AYGAIYCGCCC	AGIYACACCAG	CGCCCCIYGIYA	GCCGGAACCA	YCACCCAGCGG	2700
CIYGGACIYIYIY	GGCGCIYGGAG	CCGIYCIYGA	GAIYCCCCIYIY	GCCIYGCAGA	2750
YGGCCIYACCG	GIYIYCAACGGC	AIYCGGCIYGA	CCCAGAACGIY	GIYGIYACGAG	2800
AACCAGAAGC	YGIYCGCCAA	CCAGIYIYCAAC	AGCGCCIYIYCG	GCAAGAIYCCA	2850
GGACAGCCIYIY	AGCAGCACCCG	CIYAGCGCCCCIY	GGGCAAGCIYIY	CAGGACGIYGG	2900
YGAACCACAA	CGCCCAGGCC	CIYGAACACCC	YGGYGAAGCA	GIYGAGCAGC	2950
AAGIYIYCGGCG	CCAIYACAGCAG	CGIYGIYGAAC	GACAIYCCIYGA	GCCGGCIYGGAA	3000
CCCCIYCCGAG	GCCGAGGIYIY	AGAIYCGACCG	GIYGIYACAIY	GGCCGGCIYIY	3050
AGAGCCIYIYGA	GACCIYACGIYIY	ACCCAGCAGC	YGIYCCGGGC	CGCCGAGAIYIY	3100
CGGGCCAGCG	CCAACCIYGGC	CGCCACCAAG	AIYGAGCGAGIY	GCGIYGIYGGG	3150
CCAGAGCAAG	CGGGYGGACIY	YCIYCGGCAA	GGGIYACCAC	CIYGIYAGAIY	3200
YIYCCCCAGAG	CGCACCCAC	GGAGYGGIYIY	YCCIYGCACGIY	GACCIYACGIYIY	3250
CCCCGCCCAGG	AGAAGAACIYIY	CACCACCGCC	CCAGCCIYIY	GCCACGACGG	3300
CAAGGCCAC	YIYIYCCCCGGG	AGGGCGIYIYIY	CGIYGAGCAAC	GGCACCCAIY	3350
GGIYIYCGIYIY	CCAGCGGAAC	YIYIYACGAGC	CCCAGAIYCIY	CACCACCGAC	3400
AACACCIYIYCG	YGAGCGGCAA	CIYGCGACGIYIY	GIYGIYCGGCA	YCGIYGAACAA	3450
CACCGIYGIYIY	GAIYCCCCIYIY	AGCCCCGAGCIY	GGACAGCIYIY	AAGGAGGAGC	3500
YGGACAAGIYIY	CIYIYCAAGAIYIY	CACACCAGCC	CCGACGIYGGAA	CCIYGGGCGAC	3550
AIYCAGCGGCA	YCAACGCCAG	CGYGGYGAAC	AIYCCAGAAGG	AGAIYCGAIYIY	3600
GIYGAACGAG	GIYGGCCAAGA	ACCIYGAACGA	GAGCCIYGIYIY	GACCIYGCAGG	3650
AGCIYGGGCAA	GIYACGAGCAG	YACAIYCAAGIY	GGCCCIYGGIYA	CIYCIYGGCIYIY	3700
GGCIYIYCIYIYCG	CCGGCCIYGIYIY	CGCCIYIYCGIYIY	AIYGGYACCA	YCAIYGIYIYIY	3750
CIYGCAYGACC	AGCIYGIYGA	GIYGIYCCIYGA	GGGIYGIYIYIY	AGCIYCGGCA	3800
GIYGIYCIYGA	GIYIYCGACGAG	GACGACAGCG	AGCCCCIYIY	GAAGGGCGIYIY	3850

AAGCYGCACY	ACACCYGAYA	AYAGGCYGGA	GCCYCGGYGG	CCYAGCYICY	3900
YGCCCCYYGG	GCCYCCCCCC	AGCCCCYCCY	CCCCYYCCYG	CAAAGAGAAA	3950
GAAAYAAAGA	AAGAAAGYGG	YCYYYGAAYA	AAGYCYGAGY	GGGCGGCAAA	4000
AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	4050
AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAYCY	4100
AG					4102

A = アデノシン ; C = シチジン ; G = グアノシン ; Y = N<sup>1</sup>-メチルシュードウリジン

1-3 : 5'キャップ構造部分

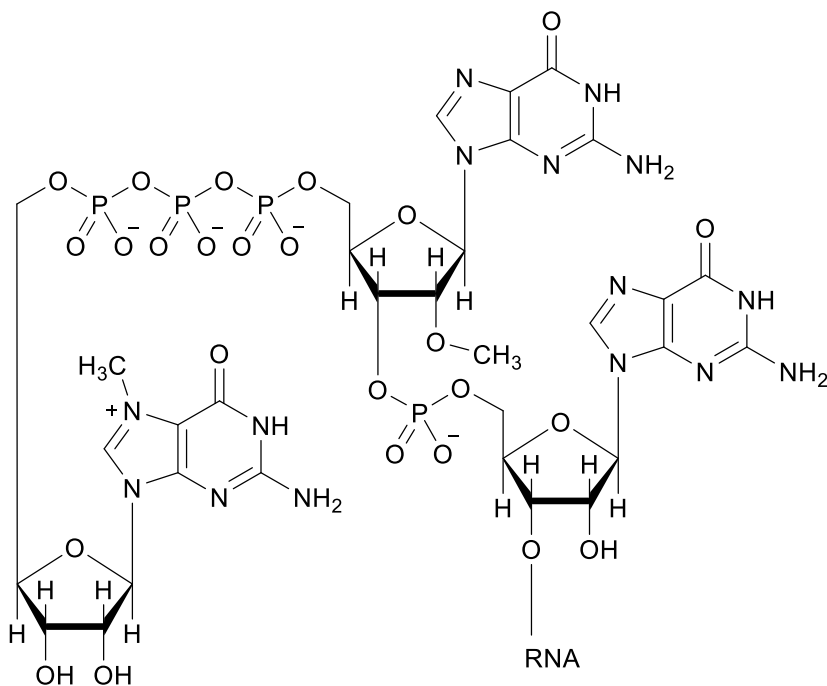
4-58 : 5'非翻訳領域

59-3874 : 翻訳領域 (59-61 : 開始コドン ; 62-94 : SARS-CoV-2 スパイクタンパク質のシグナルペプチド ; 3866-3874 : 終止コドン)

3875-3997 : 3'非翻訳領域 (3875-3942, 3967-3997 : ヒトαグロビン遺伝子3'非翻訳領域由来の配列 ; 3943-3966 : アンデュソメランの同定および相対含量評価のための配列)

3998-4097 : ポリ A 転写スリップ

5'キャップ構造部分





アンデュソメランは、SARS-CoV-2のXBB.1.5系統の変異株（オミクロン株）のスパイクタンパク質類縁体（K982P, V983P）全長をコードするmRNAである。アンデュソメランは、5'キャップ構造及びポリA配列を含み、全てのウリジン残基がN<sup>1</sup>-メチルシュードウリジン残基に置換された、4102個のヌクレオチド残基からなる1本鎖RNAである。

Andusomeran is a mRNA encoding full length of spike protein analog (K982P, V983P) of SARS-CoV-2 (Omicron variant, XBB.1.5). Andusomeran is a single-stranded RNA consisting of 4102 nucleotide residues including the 5' cap structure and poly A sequence in which all uridine residues are replaced by N<sup>1</sup>-methylpseudouridine residues.

※ JAN 以外の情報は、参考として掲載しました。